



Avec le soutien de
**LA COOPÉRATION
BELGE AU DÉVELOPPEMENT** 

RAPPORT

Formation taxonomique & accès aux collections belges

NOTIFICATION

Le rapport doit arriver au Point focal Belge pour l'Initiative Taxonomique Mondiale dans un délai d'un mois après la formation ou la visite d'étude. Une soumission électronique adressée à l'e-mail du Point focal Belge pour l'Initiative Taxonomique Mondiale (cbd-gti@naturalsciences.be) est vivement encouragée.

Si la soumission électronique s'avère impossible, le rapport peut être envoyé par fax ou courrier ordinaire. Une fois le rapport reçu, le candidat recevra un accusé de réception.

Si vous disposez de **photos pour illustrer** votre formation en Belgique, celles-ci peuvent être annexées au rapport. Le Point focal Belge pour l'ITM peut utiliser certaines de ces images dans ses rapports d'activités mais seulement après accord formel de celui qui détient les droits sur les photos.

Contact et informations complémentaires

Dr M-L SUSINI
Point Focal National Belge pour l'Initiative Taxonomique Mondiale
Institut Royal des Sciences naturelles de Belgique
Rue Vautier 29
B-1000 Bruxelles
Belgique
Tel.: +32 2 627 45 90
Fax: +32 2 627 41 95
Email: cbd-gti@naturalsciences.be

PARTIE I – INFORMATIONS SUR LE CANDIDAT	
Nom de famille (majuscules):	LAGNIKA
Prénom(s):	Moïssou
Nationalité:	Béninoise
Période et durée de la visite en Belgique :	18 Octobre au 17 Novembre soit 31 jours
Nombre de jours de formation:	21 Jours
Type de visite	<ul style="list-style-type: none"> • Surtout formation en taxonomie moléculaire
Lieu de la formation:	<ul style="list-style-type: none"> • Institut Royal des Sciences naturelles de Belgique
PARTIE II - INFORMATIONS GÉNÉRALES	
Décrivez succinctement pourquoi vous aviez besoin d'un renforcement de capacités en matière de taxonomie et/ou de gestion des collections	<ul style="list-style-type: none"> -Absence de spécialiste au Bénin -Nécessité de faire recours à un spécialiste étranger -L'Institut Royal des Sciences Naturelles de Belgique dispose de spécialiste capable de former des stagiaires en taxonomie et gestion des collections d'Oligochètes.
Décrivez succinctement quel type de support (e.g. formation, accès aux collections,...) vous avez reçu et comment il est lié à la taxonomie et/ou la conservation des collections	<ul style="list-style-type: none"> -Clé d'identification électronique des Oligochètes du genre <i>Dero</i>, taxon le plus répandu dans les puits du Bénin (sous XPer 2) -Techniques d'extraction de l'ADN -PCR <p>La partie «traitement des données moléculaires» pourra fait l'objet d'un séjour sous la supervision de Mr Gontran SONET et de mon tuteur.</p> <p>La taxinomie moléculaire permettra grâce au DNA barcoding de mieux regrouper le grand nombre de taxons en un nombre réduit afin de faciliter l'étude morphologique.</p>
Décrivez succinctement comment vos nouvelles capacités vous aideront dans vos obligations professionnelles	<p>Plusieurs espèces existent au Bénin mais un bon nombre reste totalement inconnu. L'étude et la description de nouvelles espèces permettront d'enrichir la base de données sur la biodiversité du Bénin.</p> <p>La formation en taxinomie morphologique permettra à long terme de disposer des compétences locales capables d'identifier et de décrire de nouveaux taxons.</p> <p>La formation aux techniques de séquençage de l'ADN permettra de réaliser du barcoding moléculaire de routine dans le futur, en complément aux études morphologiques.</p>

<p>Décrivez succinctement comment vos nouvelles capacités seront utilisées dans votre institution</p>	<ul style="list-style-type: none"> - Formation des étudiants à l'étude des Annélides Oligochètes. - Prospection et récolte de taxons dans de nouveaux bassins. - Etude des taxons par du personnel local pour les taxons fréquemment rencontrés.
<p>Décrivez succinctement quel autre support pourrait vous être encore utile</p>	<ul style="list-style-type: none"> -Formation taxonomique sur les Phreodrilidae, Enchytraeidae, etc. - Gestion des collections surtout des taxons dont l'ADN est extrait. - Logiciels de traitement bioinformatique des séquences d'ADN. -Initiation à l'utilisation de ces logiciels.
<p>Décrivez succinctement de quelles infrastructures et ressources humaines vous et votre institution auriez éventuellement besoin pour un meilleur fonctionnement</p>	<ul style="list-style-type: none"> - Loupe binoculaire équipée d'une caméra. - Microscope de recherche avec contraste interférentiel. - Experts en taxonomie : Copépodes et Ostracodes. - Experts en Biologie Moléculaire.
<p>Décrivez succinctement comment vous pensez que le Point focal Belge pour l'ITM peut encore augmenter votre capacité ou celle de votre institution</p>	<ul style="list-style-type: none"> -Formation aux techniques de traitement bioinformatique des données moléculaires. -Poursuite des formations sur la taxonomie morphologique et moléculaire. -Formation d'autres stagiaires sur d'autres taxons (Copépodes, Ostracodes). -Acquisition de matériel adéquat pour l'identification et la description des Oligochètes (Loupe ; microscope).

PARTIE III – INFORMATIONS SPECIFIQUES AU TAXON

<p>Quel est le taxon qui vous a intéressé ?</p>	<p>-Annélides Oligochaeta spécifiquement les genres <i>Dero</i> et <i>Haplotaxis</i>.</p>
<p>Décrivez succinctement la conduite à tenir pour la gestion des collections de votre taxon</p>	<p>Pour les spécimens destinés aux études moléculaires (séquençage ADN), les animaux sont prélevés individuellement sur le terrain, dans la mesure du possible, placés ensuite dans de l'alcool absolu (>90%) et conservés au laboratoire à – 20°C. Si le tri n'est pas possible sur le terrain, l'échantillon est élué sur place au maximum et ensuite conservé par ajout d'alcool absolu. De retour au laboratoire, l'alcool est remplacé par de l'alcool neuf. Après le tri, chaque groupe de taxon est conservé dans des micro tubes contenant de l'alcool absolu. Afin de pouvoir combiner l'étude morphologique et moléculaire, les spécimens du genre <i>Dero</i> sont sectionnés en trois parties : les parties antérieures et postérieures sont réservées pour l'étude morphologique. La partie médiane est utilisée pour l'extraction de l'ADN. En ce qui concerne les autres groupes, c'est seulement une portion de la partie postérieure qui est coupée pour l'extraction de l'ADN. Les séquences obtenues sont encodées de même que les portions destinées à l'étude morphologique. Chaque spécimen reçoit un identifiant unique, lié à la base de données reprenant toutes les informations concernant les stations et les échantillons. Cet identifiant permet également de faire le lien entre les séquences obtenues et les fragments conservés en collection (alcool ou lames de référence).</p>
<p>Décrivez succinctement comment vous pensez diffuser vos données taxonomiques auprès de vos collègues</p>	<ul style="list-style-type: none"> -Communication orale -Poster -Publication des articles scientifiques -Formation des étudiants
<p>Décrivez succinctement comment votre travail aide à améliorer l'état de la biodiversité dans votre pays</p>	<p>La description de nouvelles espèces permettra d'enrichir les bases de données existantes au Bénin. A ce jour, ces bases de données ne font pas référence aux annélides Oligochètes qui existent pourtant dans ce pays.</p>
<p>Décrivez succinctement comment votre travail aide à lutter contre la pauvreté dans votre pays</p>	<p>Lorsque la faune aquatique d'une région est bien connue, il est parfois possible de différencier les stations dont l'eau est de bonne qualité de celles dont l'eau est polluée à partir de la faune qu'elles hébergent. La différenciation des stations à partir de la faune pourrait utilement compléter les analyses de l'eau pour les populations rurales, dans la mesure où leur présence ou absence dans les stations est le reflet de l'histoire qualitative du point d'eau étudié. La présence des taxons du genre <i>Haplotaxis</i> est un bon indicateur des nappes d'eau souterraine. Elle peut utilement aider les gestionnaires d'eau à confirmer l'origine phréatique des sources d'eau destinée à la consommation.</p>